

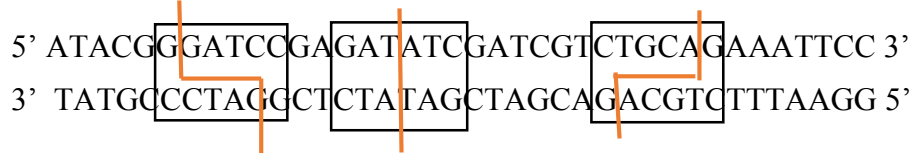
Corrigé-type

-Ecrire la séquence et l'orientation du second brin de ce fragment.....**1point**

5' ATACGGGATCCGAGATATCGATCGTCTGCAGAAATTCC 3'

3' TATGCCCTAGGCTCTATAGCTAGCAGACGTCTTTAAGG 5'

- Le nom de la liaison qui est rompue sous l'action de ces enzymes de restriction : liaison phospho-diester, En hydrolysant la liaison entre le phosphate et le carbone 3' du nucléotide suivant.....**1point**
- Recopier la séquence de l'ADN double brin et encadrer les sites de reconnaissance en indiquant la position des coupures (site de restriction).



BamHI EcoRV PstI.....**4.5points**

Xho I ne reconnaît pas de site sur ce fragment d'ADN donc n'aura pas d'action.....**0.5point**

- Pour chaque enzyme, le type de coupure et d'extrémités obtenu.

Bam HI : Coupure cohésive. Extrémités cohésives.....**1point**

EcoRV : Coupure franche. Extrémités franches.....**1point**

PstI : Coupure cohésive. Extrémités cohésives.....**1point**

2- A : Adénine et guanine. B : uracile. C : cytosine. D : thymine.....**5points**

2) Parmi ces structures, lesquelles :

- a) contiennent du ribose B.....**0.25point**
- b) contiennent du désoxyribose A, C.....**0.5point**
- c) contiennent une purine A**0.25point**
- d) contiennent une pyrimidine B, C, D.....**0.75point**
- f) sont des nucléosides B**0.25point**
- g) sont des nucléotidesa A, C.....**0.5point**
- h) se trouvent dans l'ARN B**0.25point**
- i) se trouvent dans l'ADN A,C,D.....**0.75point**

B :

uridine.....**0.5point**

C : 2'deoxycytidine 5'monophosphate.....**1point**